

الله
بِسْمِ اللّٰهِ الرَّحْمٰنِ الرَّحِيْمِ



دانشگاه علوم پزشکی و خدمات بهداشتی، درمانی استان اردبیل

دانشکده پزشکی

پایان نامه جهت اخذ درجه دکترای تخصصی جراحی عمومی

عنوان:

بررسی میزان RNA سرمی ژن Stanniocalcin2 در بیماران مبتلا به سرطان معده در استان اردبیل در مراجعین به بیمارستان‌های فاطمی و امام خمینی (ره) اردبیل

اساتید راهنما:

دکتر امیراحمد عرب زاده

دکتر سید سعید حسینی اصل

اساتید مشاور:

دکترا ایرج فیضی

دکتر سعید صادقیه اهری

نگارش:

دکتر هوشنگ قیموري

بهار ۱۳۹۸

شماره پایان نامه: ۰۱۲۸

تقدیم به بی کران مهر و عطوفت مهدی موعود (عج) که یگانه شاهراه
عشق و عرفان جز امتداد نگاه او نیست.

مرا هزار امیدست و هر هزار توبی....

و تقدیم به ساحت مقدس شهدای مدافع حرم اهل بیت (ع)، که جلوه
عاشقی و مردانگی را به تصویر کشیدند...

و به شهید امین تیموری عزیز که عاشقانه ترین باده ارادت را در محضر
مولایش حسین (ع) سرمستانه سر کشید و با آمدنش کوچه پس
کوچه‌های شهرمان بوی عشق و شهادت گرفت ...

و تقدیم به روح پرفتح پدر عزیزم...

سپاس و قدردانی

سپاس بی کران پروردگار یکتا را که هستی مان بخشد و خوش
چینی از بوستان علم و معرفت را روزیمان نمود.

سپاسگزار کسانی هستم که وجودشان برایم ترنم بهاری جاودانه
است و مقدس ترین واژه‌ها در قاموس قلب و روح هستند. مادر
و همسر عزیزم که با قلبی آکنده از مهر، محیطی سرشار از
امنیت و آرامش برایم فراهم نمودند و فرزندانم آروین و آرتین که
زیباترین شکوفه‌های اهدایی خدا در بوستان زندگیم هستند. بدون
شك مقام و منزلت استاد اجل از آنست که در مقام قدردانی از
زحمات بی شائبه‌ی او با زیان قاصر و دست ناتوان بتوانم چیزی
بنگارم. اما بر خود وظیفه می‌دانم به رسم ادب از استاد راهنمای
فرهیخته و فرزانه جناب آقای دکترسید سعید حسینی اصل که در
کمال سعه صدر، با حسن خلق و فروتنی روشنگر مسیرم بودند
و ظلمت اندیشه ام را با راهنماییهای ارزشمندان نوربخشیدند و
همچنین اساتید بزرگوار جناب آقای دکتر امیراحمد عرب زاده ،
جناب آقای دکترا ایرج فیضی و جناب آقای دکتر سعید صادقیه اهری
که از هیچ کمکی بر من دریغ نکردند و ناهمواریهای راه را برایم
هموار کردند تشکر و قدردانی نمایم.

چکیده

بررسی میزان **Stanniocalcin2 RNA** سرمی ژن در بیماران مبتلا به سرطان معده در استان اردبیل در مراجعین به بیمارستان‌های فاطمی و امام خمینی(ره) اردبیل سابقه و هدف: سرطان به ترتیب در کشورهای توسعه یافته و در حال توسعه اولین و دومین عامل مرگ می‌باشد. روش‌های تهاجمی میکروسکوپی و اندوسکوپی بطور روتین برای غربالگری سرطان معده مناسب نمی‌باشد، فلذا نیاز به بیومارکرهایی با توانایی تشخیص سریع، ساده و با حساسیت بالا در مراحل اولیه سرطان، به شدت احساس می‌شود. این پژوهش با هدف بررسی میزان **Stanniocalcin2 RNA** سرمی ژن در بیماران مبتلا به سرطان معده در استان اردبیل در مراجعین به بیمارستان‌های فاطمی و امام خمینی (ره) اردبیل انجام شد.

مواد و روش‌ها: این مطالعه مورد شاهدی در طی سال‌های ۹۵ و ۹۶ در دانشگاه علوم پزشکی اردبیل انجام شد. نمونه‌های این مطالعه مربوط به ۵۰ بیمار مبتلا به سرطان معده (مورد) و ۵۰ فرد سالم (شاهد) بودند. نمونه خون محیطی از بیماران مبتلا به سرطان معده و نیز افراد داوطلب به عنوان گروه شاهد در لوله‌های حاوی ماده ضد انعقادی **EDTA** جمع‌آوری و بلافضله تحت جداسازی سرم قرار گرفتند. پس از طی مراحل سانتریفوژ **RNA** سرمی استخراج و بعد از سنتز **CDNA**، با روش **Taq Man** و **Real-time PCR** با استفاده از پرایمرها و پروب‌های اختصاصی، سطح **STC2 RNA** سرمی ژن **STC2** اندازه گیری گردید. سپس نتایج ارزیابی‌های سرمی و اطلاعات کلینیکوپاتولوژیکی بیماران و گروه کنترل بهمراه اطلاعات حاصل از بررسی پرونده‌های بیماران و یافته‌های دموگرافیک و جداول تنظیمی و نمودارهای مربوطه جمع‌آوری شد. برای آنالیز اطلاعات توصیفی از شاخص‌های مرکزی (میانگین، میانه) و شاخص‌های پراکندگی (انحراف معیار، واریانس) و نرم افزار **SPSS 22** استفاده شد. بدلیل عدم توزیع نرمال داده‌ها از ضریب همبستگی اسپیرمن و از آزمون‌های **kruskal wallis** و **mann-whitay** جهت تجزیه و تحلیل استفاده شد.

یافته‌ها: تحلیل داده‌ها نشان داد که شایع ترین محل آناتومیک کانسر، تنه معده بود. افزایش بیان **STC2** در ۲۶ مورد از بیماران مبتلا به موارد سرطان معده و در ۸ مورد گروه شاهد مشاهده شد که ارتباط معنی داری بین بیان بالای **STC2** و ابتلا به کانسر گاستریک وجود داشت.

نتیجه گیری: بر اساس یافته‌های مطالعه حاضر بین سن، جنس، تمایز تومور، محل آناتومیک سرطان معده، ساب تایپ‌های سرطان و افزایش بیان STC2 ارتباطی وجود نداشت اما ارتباط معنی داری بین فراوانی موارد با افزایش بیان STC2 و سن بالای ۶۵ سال و تقسیم بندی TNM کانسر وجود داشت.

واژگان کلیدی: سرطان معده؛ ژن Stanniocalcin؛ میکرو RNA

فهرست مطالب

صفحه

عنوان

فصل اول طرح تحقیق

۲	۱- مقدمه و بیان مسئله
۴	۱-۲ تعریف واژه‌ها
۵	۱-۳ اهداف و فرضیات
۵	۱-۳-۱ هدف کلی
۵	۱-۳-۲ اهداف اختصاصی
۵	۱-۳-۳ فرضیات
۵	۱-۳-۴ هدف کاربردی

فصل دوم پیشینه تحقیق

۷	۲-۱ بیولوژی سرطان
۸	۲-۲ پروتوبانکوژن‌ها
۹	۲-۳ مرگ برنامه ریزی شده سلول
۹	۲-۴ سلولهای بنیادی سرطان
۱۰	۲-۵ آدنوکارسینوم معده
۱۰	۲-۵-۱ میزان بروز و اپیدمیولوژی:
۱۱	۲-۵-۲ پاتولوژی:
۱۲	۲-۵-۳ اتیولوژی:
۱۴	۲-۵-۴ مورفولوژی:
۱۵	۲-۵-۵ تظاهرات بالینی

۱۶.....	۲-۵ تشخیص
۱۷	۲-۵ درمان
۱۸	Stanniocalcin ۲-۶
۱۹.....	۲-۶ ساختار ژنومی و لوکالیزاسیون کروموزومی STC1 و STC 2
۲۰	۲-۶ بیان mRNA و پروتئین ژن STC2
۲۰	۲-۶ نقش بیولوژیکی
۲۰	۲-۶ نقش STC 2 و STC1 در سرطان
۲۱	۲-۷ مطالعات انجام شده در جهان

فصل سوم شیوه اجرای تحقیق

۲۵	۳-۱ نوع مطالعه
۲۵	۳-۲ محیط پژوهش
۲۵	۳-۳ جمعیت مورد مطالعه و حجم نمونه
۲۵	۳-۴ روش گردآوری اطلاعات
۲۵	۳-۵ مواد لازم برای انجام تحقیق
۲۷	۳-۶ وسایل مورد نیاز:
۲۸	۳-۷ دستگاههای مورد استفاده برای انجام Quantitative RT-PCR
۲۸	۳-۸ روش کار تهیه آب فاقد (DEPC – treated) RNase
۲۸	۳-۹ مواردی که در کار با RNA در استخراج RNA رعایت گردیدند:
۳۰	۳-۱۰ واکنش زنجیره‌ای پلیمراز (PCR)
۳۰	۳-۱۱ RT-PCR
۳۰	۳-۱۲ الکتروفورز محصول PCR بر روی ژل آگارز

۳۱	۱۴- روش مورد استفاده برای تعیین کمیت:
۳۲	۱۵- روش تجزیه و تحلیل داده‌ها و بررسی آماری
۳۲	۱۶- معیار ورود
۳۳	۱۷- معیار خروج
۳۳	۱۸- ملاحظات اخلاقی
۳۴	۱۹- متغیرهای مطالعه

فصل چهارم نتایج

۳۶	۱- نتایج
----	----------

فصل پنجم بحث و نتیجه گیری

۴۴	۱- بحث
۴۷	۲- نتیجه گیری
۴۸	۳- محدودیتها
۴۹	۴- پیشنهادات
۵۰	۵- منابع

۵۱	۶- منابع
----	----------

فهرست جداول

عنوان	صفحه
جدول ۱-۲: فاکتورهای خطرساز کارسینوم معده (۱)	۱۳
جدول ۲-۲: سیستم طبقه بندی برای کارسینوم معده (۲)	۱۷
جدول ۱-۴: فراوانی جنسیت افراد مورد مطالعه	۳۶
جدول ۲-۴: توزیع فراوانی واحدهای مورد مطالعه بر حسب سن	۳۷
جدول ۳-۴: ارتباط جنسیت با بیان بالای STC2	۳۸
جدول ۴-۴: ارتباط سن با بیان بالای STC2	۳۸
جدول ۵-۴: توزیع فراوانی محل آناتومیک کانسر	۳۹
جدول ۶-۴: ارتباط فراوانی محل آناتومیک کانسر با بیان بالای STC2	۳۹
جدول ۷-۴: توزیع فراوانی ساب تایپ‌های کانسر	۴۰
جدول ۸-۴: ارتباط فراوانی ساب تایپ‌های کانسر با بیان بالای STC2	۴۰
جدول ۹-۴: توزیع فراوانی تمایز یافتن کانسر	۴۱
جدول ۱۰-۴: ارتباط فراوانی تمایز یافتن کانسر با بیان بالای STC2	۴۱
جدول ۱۱-۴: توزیع فراوانی درجه تمایز یافتن کانسر	۴۲
جدول ۱۲-۴: ارتباط فراوانی درجه تمایز کانسر با بیان بالای STC2	۴۲

فهرست نمودار

عنوان	صفحة
نمودار ۱-۴: توزیع فراوانی میزان بیان ژن STC2 ۳۷	۳۷

فهرست شکل‌ها

- ۷۳ شکل ۱-۲ مکانیزم شیمیایی پروب TaqMan
- ۷۴ شکل ۲-۲ مراحل مختلف انجام Q-RT-PCR