



دانشگاه علوم پزشکی
و خدمات بهداشتی درمانی اردبیل

دانشگاه علوم پزشکی اردبیل
دانشکده پزشکی

پایان نامه جهت اخذ درجهٔ دکترای حرفه‌ای رشتهٔ پزشکی

عنوان:

بررسی مولکولی مقاومت به اتامبوتوول با روش MAS-PCR در

ایزوله‌های مایکو باکتریوم توبرکلوزیس جدا شده از بیماران

مراجعه کننده به مرکز بهداشت در شهر اردبیل، ۹۶-۹۹

نگارش:

زهرا وکیلی

اساتید راهنما:

دکتر رقیه تیمورپور

دکتر جعفر محمدشاھی

اساتید مشاور:

دکتر محسن ارزنلو

دکتر حافظ میرزا نژاداصل

اردیبهشت ۱۴۰۲

شماره پایان نامه: ۰۱۰۳۳



بسمه تعالی

دانشگاه علوم پزشکی

و خدمات بهداشتی در عالی استان اردبیل

گواهی اصالت پایان نامه

اینجانب دانشجوی مقطع دکتری رشته پزشکی دانشگاه علوم پزشکی اردبیل تایید می‌نمایم که:

- این پایان نامه بر اساس نتایج بررسیها / تحقیقات انجام یافته توسط اینجانب تحت راهنمایی بوده و بوسیله خودم انشا گردیده است و در صورت استفاده از نتایج پژوهش ها و یا آثار دیگران بلا فاصله به مرجع مورد استفاده استناد شده است و در قسمت منابع و مأخذ مشخصات مرجع به طور کامل ذکر گردیده است.
- مسئولیت صحت مطالب مندرج در این پایان نامه به طور کامل با اینجانب است.
- این پایان نامه قبل از دریافت هیچ مدرک تحصیلی (هم سطح، پایین تر یا بالاتر) در سایر دانشگاه ها و موسسات آموزش عالی ارائه نشده است.
- کلیه حقوق مادی و معنوی این پایان نامه و هر گونه محصول مستخرج از آن اعم از مقالات، چاپ کتاب و ثبت اختراع به دانشگاه علوم پزشکی اردبیل تعلق دارد و هرگونه استفاده از اطلاعات و یا نتایج، واگذاری اطلاعات به افراد دیگر، چاپ، تکثیر، نسخه برداری، ترجمه و اقتباس از این پایان نامه بدون اخذ اجازه کتبی از دانشگاه علوم پزشکی اردبیل ممنوع است.
- کلیه مقالات مستخرج از این پایان نامه تحت نام دانشگاه علوم پزشکی اردبیل (Ardabil University of Medical sciences) به عنوان وابستگی نویسنده اول یا مسئول و با اطلاع و اجازه تمامی استاد راهنما و مشاور به چاپ رسیده یا خواهد رسید.
- چنانچه در هر مقطع زمانی، خلاف موارد فوق ثابت شود، عواقب ناشی از آن را می پذیرم و دانشگاه مجاز است با اینجانب مطابق با ضوابط و مقررات رفتار نموده و در صورت برخورد قانونی، هیچ گونه ادعایی نخواهم داشت.

نام و نام خانوادگی دانشجو

امضا و تاریخ

- بدینوسیله اصال و صحت نتایج این پایان نامه مورد تأیید اینجانب، استاد راهنما می باشد.

نام و نام خانوادگی استاد راهنما

امضا و تاریخ

فهرست مطالب

صفحه	عنوان
۱	چکیده
۳	فصل اول مقدمه
۴	۱-۱- اهمیت موضوع و انگیزه تحقیق
۶	۱-۲- اهداف پژوهش
۶	۱-۲-۱- هدف کلی
۶	۱-۲-۲- اهداف اختصاصی
۶	۱-۳- سوالات و فرضیات مطالعه
۶	۱-۴- تعریف واژه‌ها
۸	فصل دوم بررسی متون
۹	۲-۱- مبانی نظری
۹	۲-۱-۱- توبرکلوز در جهان
۹	۲-۱-۲- توبرکلوز در ایران
۱۰	۲-۱-۳- مایکوباکتریوم
۱۱	۴-۱-۲- پاتوژن‌ز مایکوباکتریوم توبرکلوزیس و ایجاد ضایعه
۱۶	۵-۱-۲- ریسک فاکتورها
۱۷	۶-۱-۲- مدیریت توبرکلوز

۱۸.....	۲-۱-۷- مقاومت دارویی در توبرکلوز.....
۱۹.....	۲-۱-۸- مقاومت توبرکلوز در مقابل اتمبوتوول.....
۲۱.....	۲-۲- بررسی متون.....
۲۳.....	فصل سوم مواد و روش کار.....
۲۴.....	۳-۱- نوع پژوهش.....
۲۴.....	۳-۲- جمعیت مورد مطالعه.....
۲۴.....	۳-۳- نمونه برداری و روش نمونه‌گیری و گردآوری اطلاعات.....
۲۵.....	۴-۳- روش تجزیه و تحلیل داده‌ها و بررسی آماری.....
۲۵.....	۵-۳- معیارهای ورود به مطالعه.....
۲۵.....	۶-۳- معیار خروج از مطالعه.....
۲۵.....	۷-۳- ملاحظات اخلاقی.....
۲۶.....	۸-۳- جدول متغیرهای مطالعه.....
۲۶.....	۹-۳- طرح مطالعه.....
۲۷.....	۱۰-۳- روش کار.....
۲۷.....	۱۰-۱- رنگ آمیزی زیل نلسون.....
۲۸.....	۱۰-۲- استخراج DNA کروموزومی.....
۲۸.....	۱۰-۳- تهیه TRIS-HCL 100 MM.....
۳۰.....	۱۰-۴- آماده سازی پرایمر.....

۲۹ ۳-۱۰-۵- شناسایی ژن IS6110 برای تایید سویه های کمپلکس سلی

۲۹ ۳-۱۰-۶- محاسبه دمای اتصال (ANNELING)

۳۱ ۳-۱۰-۷- الکتروفورز محصولات PCR

۳۱ ۳-۱۰-۸- تهیه بافر TBE 10X

۳۱ ۳-۱۰-۹- شناسایی ژن EMBB306

فصل چهارم نتایج.....

۳۴ ۴-۱- اطلاعات دموگرافیک

۳۸ ۴-۲- تایید سویه های کمپلکس سلی

۳۹ ۴-۳- تصاویر ژن EMBB306

۴۰ ۴-۴- نتایج توالی یابی ژن های IS6110 و EMBB306

فصل پنجم بحث.....

۴۵ ۵-۱- بحث.....

۵۲ ۵-۲- محدودیت های مطالعه

۵۳ ۵-۳- نتیجه گیری

۵۴ ۵-۴- پیشنهادات

منابع.....

فهرست جداول

۲۶	جدول ۱-۳: متغیرهای مطالعه
۲۹	جدول ۲-۳: پرایمر مورد استفاده برای ژن IS6110
۳۰	جدول ۳-۳: مواد لازم برای واکنش PCR
۳۲	جدول ۴-۳: پرایمر های مورد استفاده برای تکثیر ژن embB306
۳۴	جدول ۱-۴: توزیع فراوانی بیماران براساس جنس
۳۵	جدول ۲-۴: توزیع فراوانی بیماران براساس بیماری زمینه ای
۳۵	جدول ۳-۴: توزیع فراوانی بیماران براساس محل سکونت
۳۶	جدول ۴-۴: توزیع فراوانی بیماران براساس طول دوره درمان
۳۶	جدول ۵-۴: توزیع فراوانی بیماران براساس سطح تحصیلات
۳۷	جدول ۶-۴: توزیع فراوانی بیماران براساس پیامد بیماری
۴۲	جدول ۷-۴: نتایج دموگرافیک نمونه های مقاوم بر اساس متغیرها

فهرست شکل‌ها و نمودارها

شکل ۱-۴: نمونه تصویری از ژن IS6110 مخصوص PCR بر روی ژل آگاروز... ۳۸

شکل ۲-۴: نتایج الکتروفورز محصول برای بررسی ژن embB306 بر روی ژل آگاروز... ۳۹

فهرست علائم اختصاری

AFB: Acid-fast bacillus

AIDS: Acquired immunodeficiency syndrome

DNA: Deoxyribonucleic acid

DTH: Delayed-type hypersensitivity

EMB: Ethambutol

HIV: Human immunodeficiency virus

IFN: Interferons

INH: Isoniazid

MAS-PCR: Multiplex allele specific polymerase chain reaction

MDR: Multidrug-resistant

MDR-TB: Multidrug-resistant tuberculosis

Mtb: Mycobacterium tuberculosis

NaoH : Sodium hydroxide

NTM: Nontuberculous mycobacteria

PCR: polymerase chain reaction

PCR-SSCP: Polymerase chain reaction-single-strand conformation polymorphism

PRR: Pattern Recognition Receptors

PZA: Pyrazinamide

RIF: Rifampicin

RNA: Ribonucleic acid

SLD: Second-line drugs

SPSS: Statistical Package for Social Sciences

TB: Tuberculosis

TLR: Toll-Like Receptor

XDR-TB: Extensively drug-resistant tuberculosis

WHO: World Health Organization

بررسی مولکولی مقاومت به اتمبوتول با روش MAS-PCR در ایزوله های مایکو باکتریوم توبرکلوزیس جدا شده از بیماران مراجعه کننده به مرکز بهداشت در شهر اردبیل، ۹۶-۹۹

چکیده

زمینه: از اهداف سازمان بهداشت جهانی کاهش شیوع بیماری سل به کمتر از یک مورد در هر یک میلیون نفر تا سال ۲۰۵۰ می باشد. برای رسیدن به این هدف تشخیص سریع بیماری، ارائه درمان موثر و شناسایی سویه های مقاوم به دارو اهمیت بسیاری دارد. بر این اساس این مطالعه با هدف شناسایی مقاومت نسبت به اتمبوتول در بیماران مسلح مراجعه کننده به مرکز بهداشت اردبیل طراحی گردید.

هدف: تشخیص مولکولی مقاومت به اتمبوتول در بیماران مسلح مراجعه کننده به مرکز بهداشت اردبیل

مواد و روش کار: در این مطالعه مقطعی -توصیفی، بین سال های ۹۶-۹۹، ۷۱ نمونه خلط از بیماران مراجعه کننده به مرکز بهداشت اردبیل جمع آوری شد. نمونه ها ابتدا با روش میکروسکوپیک بررسی شده سپس با روش جوشاندن، DNA استخراج شد. به کمک پرایمر های اختصاصی و تکنیک PCR حضور سویه های کمپلکس سلی و به دنبال آن مقاومت نسبت به اتمبوتول بررسی گردید.

یافته ها: از ۷۱ نمونه مورد بررسی عنمونه NTM (۸.۴۵٪) بودند. از کل نمونه های مورد بررسی، ۳۶ نمونه (۵۰.۷٪) دارای موتاسیون ژن *embB306* بودند که از این تعداد ۳ نمونه NTM بودند (کل مقاوم های NTM ۵۰٪ بود). در بین ایزوله های مقاوم به اتمبوتول، در ۶ نمونه لود باکتری ۱ مثبت بود (۱۶.۶۷٪)، در ۸ نمونه لود باکتری ۲ مثبت بود (۲۲.۲۲٪) و در بقیه همگی ۳ مثبت یا بالاتر بودند (۶۱.۱۱٪).

نتیجه گیری: در این مطالعه میزان فراوانی مقاومت نسبت به اتمبول ۷۰٪/بود که درصد بالایی را نشان می دهد. همچنین این مطالعه نشان داد که روش MAS-PCR روشی سریع، ارزان و موثر برای شناسایی مقاومت نسبت به داروهای خط اول سل مانند اتمبوتول می باشد. به کمک این روش می توان همزمان مقاومت نسبت بقیه داروهای خط اول را نیز بررسی کرد و با تشخیص سریع مقاومت های آنتی بیوتیکی و درمان موثر تر سویه های مقاوم از گسترش سویه های مقاوم در جامعه پیشگیری کرد.

كلمات کلیدی: مايكوباكتريوم توبركلاوزيس، DNA، اتمبوتول.